

rab5B  
30233212  
CATTAAATAACCTATCATTGATATTAAAGTTATATAATTATATAATT  
30233250  
CAAATAAATAAATATCATAAAAACAACTGCAACAACCACATCAAATGACATGCCAA  
rab7A  
TGATGTATCTTGCCTATTAAAAAAATAAAAATGACATGCCAA  
rab21  
TAAAAAACAAAAACATAACCAAAATAAAATAAAATAAAACATAACCAAAACA  
rabK1  
ATTTTTGATTGTTGGCAAGAACATGAAGCATATTAGTAAAGAACATTAACCAAAACA  
rab2A  
CAAGATATCTAGACACAAATATCTTCTATTATTATTTGATCAAAAGAT  
rab18  
CCATAGTTTATTTAATAAAATTATTTATTTAATAAAAGAACATAAAAATAAAAAAAATA  
rabS  
AGATATTTCACCTTAAATCGACACCTGCAGGGTTCGAACCTGCCCTCCGAAAGAGAA  
rabP  
TTTCCAAAAGTTGAAGAATATAAATCAAGTCATGAAGCATGGCAACTACTAAAC  
rab14  
GTATAAATTACACCAGAACCCCAGGTTTAAAGATTCATTCATAAAAGATTT  
rabW  
AGAAGAAAAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAAGATTC  
rab32B  
AAAAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAAGATTC  
rab2B  
AAAAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAA  
rabU  
GTTTGGAAAGTGATGTTGGTAAATTATTGGATATGCAACAAATTATTGACTTGACCA  
rab24  
TTTTTTATGAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTATTGTGTGTTGTTGATTAATG  
rabG2  
TCATACTATACACATGCACACACATGCACACATACACACATGTTCACATACCGAAAA  
rab1B  
ATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAA  
rabN2  
ATTATTAAATCACTTGCACCTCAATTAGAAAGTGAATAGAAATAAAATAAA  
rabC  
TATTTTATTCTATTTTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATTCTTATT  
rab32D  
CTCAAAAGAAAAAAAGAAAAAAACCATTCAGCTTATATAAAATAAAATAAA  
30229988  
AAAAAAATTAAAAAAAGTGAAATAAAATAAAACAAATAAAATAAAATTTAA  
rab5A  
ATAAAAGAAAAAAATTTAAAGATAACTTTTACATATATATCAAGAAATAA  
30233190  
30233251  
rabY  
ACCAATCACAAATGATAAGATTAAACAGTTTACGTTATCAATTAGATTAA  
rab11A  
GAAAACGAAATTTTAAAGATATCTCAAAAGAAATTCAATTAGATTAA  
rabX  
CGTGAACAAATTATTAAATTTAAATTATTATTATTATTATTATTATT  
rabO  
TTTGGAAATAATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATT  
rab11B  
TCCAATCTACCATATTCTTACCAATTATTAAATTATTATTATTATT  
rabG1  
AAACTTAAACATGCACAGTCATTGCATTCCGAAATCAGTACTCCAAACCTAGTCCTT  
rab8B  
GAAGTTGTATTAAATTGATTAAAAAAATTGAGATTGAGGCACTGTATAAAAGAAAT  
rabJ  
ATAATAATAATAACACCTTATTGAAATTTCAAATTAAAAAAAGAAATAGCTTAC  
rabM  
AATTTCCTTTTATTAAATTATTATTATTCAAAACAGTAAATTATTATT  
rabV  
CAAGAATTGAAACAAATGGTGTAAAAATTATTGAAGATCAAGGAATTAGATA  
rab1D  
TTATATTATTACATTACATTGACGACGAGATTATTGTTTTTTTATT  
rab8A  
TTAAAAAAATTACCTTAAAAAAATTATCCCCTTTTTTTTTTTTTTT  
rabH  
TAAGGGTTCAATTGACAGAGAAAAAAAGATAATTCAAAAGAAGATGTGT  
30233191  
GGACAACAAGAAAAATAAAAGATAATTCAATTGGAATCTAGATTTCACACCAA  
rab11C  
TTTTTTGGGAAATTGAAAAAAATTATGATATTGTTTTTTTTTTTTTT  
rab6  
GTGTTAAAACACCTCCAAATAACAAATAAAATAAAATTATT  
rab1A  
AATGAAAATTAAATAATATTAAATATTAAATTAAATT  
rabZ  
TTGAAATTAAATTAAATAATATTAAATTAAATTAAATT  
30230049  
AACATTGTACTGAAAGATAAAATAAAATAGCCTTAAAAAAATTATT  
rabR  
TTTTTTTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATT  
rab4  
TTTTTATTATTATTAGCGAAAGGAATGAATGAATTACACAAATTGAGTAACCTAACGGAA  
rabQ  
TTTTTATTATCATTGTGTATTTCAGTTCTATTTTATAACTAAATTCAATT  
rab32C  
TTTAAATAATTAACTCGATTACATTCTTACTTGACAAATTAAATT  
rab1E  
TGTAATAATTAAATTAAATAATTCAACCAATTAAATATCAATT  
rabT2  
TTTTTGTTTTAATAATTCAATTCTCCTCAATTACTGTCAATT  
rab1C  
AAGAATAGAAAAAATTCTCCTCAATTACTGTCAATT  
rab32A  
GTTGTTGAAATTGAAGTATTCTAAAAATTATTAGGATAGAGAAACTGGATCTCTCA  
rabA  
TTTTAAATCAAAAATTAAAAAATAATTATCCTTTTAATT  
rabL  
ATTATAGAGATGTAGATTGTGTGACTTTGTTGGTATTCAATT  
rab7B  
ATTATATAGTTAATTCCCTTAATAAACACTAAATTGTCATT  
rabT1  
CAACTGCACCATCACCAACAACTACACATTAAATTGCTTGCATTATGTTTTTTTT